

# 苯并恶唑啉酮类化合物功能与生物合成研究进展

高洪江<sup>1,2</sup>, 李圣彦<sup>2</sup>, 汪海<sup>2</sup>, 林凤<sup>1</sup>, 张春宇<sup>1\*\*</sup>, 郎志宏<sup>2\*\*</sup>

1. 沈阳农业大学生物科学技术学院, 沈阳, 110866

2. 中国农业科学院生物技术研究所, 北京, 100081

**摘要:** 苯并恶唑啉酮 (Benzoxazinoids, 简称 BXs) 是植物体内一种重要的次生代谢物, 因其具有防御作用和化感作用得到了广泛的关注和研究。随着基因组学及分子生物学的发展, 苯并恶唑啉酮的生物合成在分子领域的研究取得了很大的进展。介绍了苯并恶唑啉酮概况、苯并恶唑啉酮的功能以及苯并恶唑啉酮生物合成参与基因及表达调控。

**关键词:** 苯并恶唑啉酮 抗虫 抗病 生物合成

## Progress on Function and Biosynthesis of Benzoxazinoids

Gao Hong-jiang<sup>1,2</sup>, Li Sheng-yan<sup>2</sup>, Wang Hai<sup>2</sup>, Lin Feng<sup>1</sup>, Zhang Chun-yu<sup>1</sup>, Lang Zhi-hong<sup>2</sup>

(1. Biological Science and Technology College, Shenyang Agricultural University, Shenyang 110866, China

2. Biotechnology Research Institute, Chinese Academy of Agricultural Sciences, Beijing 100081, China)

**Abstract:** Benzoxazinoids (BXs for short) are important secondary metabolites in plants. There has been a wide range of attention and research of them because of their role in defensive and allelopathy. With the development of genomics and molecular biology, the BXs biosynthesis and other molecular areas research has made great progress. This article briefly introduces the BXs profile, the function of BXs, the genetic basis of BXs biosynthesis and expression regulation.

**Key words:** Benzoxazinoids; insect resistance; disease resistance; biosynthesis

植物中有大量的次生代谢物, 参与植物防御。苯并恶唑啉酮是植物特有的一类具有防御性的次生代谢物, 其对植食性害虫的抑制作用以及抗菌特性已被陆续发现并证实。随着基因组学和分子生物学的发展, 苯并恶唑啉酮的生物合成与基因表达调控成为了研究的热点。文章对苯并恶唑啉酮概况、苯并恶唑啉酮的功能 (以丁布为主) 以及苯并恶唑啉酮的生物合成基因做具体介绍。

### 1 BXs 概况


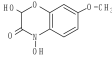
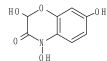
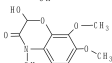

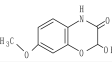
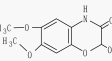
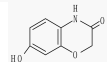

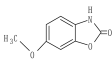
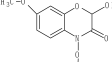
苯并恶唑啉酮是具有 2-羟基-2H-1,4-苯并恶唑-3(4H)酮骨架的吡啶派生物及其衍生物所组成的一类参与植物化学防御的化合物。这些植物化学物质广泛存在于禾本科, 包括小麦、玉米和大麦等重要的经济作物中, 也存在于一部分双子叶植物中, 如车前科、唇形科等<sup>[1]</sup>。该类化合物在多种作物中表现出抗虫、抗菌和化感作用, 是植物体内一类重要的次生代谢物。早在 1955 年, Virtanen 等人在黑麦中首次发现苯并恶唑啉酮<sup>[2]</sup>, 随后在 1959 年, Vahlroos 等人在小麦和玉米中发现了苯并恶唑啉酮的存在<sup>[3]</sup>, 随即得到了学者广泛的关注与研究。由于苯并恶唑啉酮的结构多样性, Niemeyer 等人将苯并恶唑啉酮分成了三类, 分别是异羟肟酸 (hydroxamic acids, hx)、内酰胺 (lactams) 和甲基衍生物 (methyl derivatives)<sup>[4]</sup>。2011 年, Hanhineva 等人进一步将苯并恶唑啉酮划分为异羟肟酸、内酰胺和苯并恶唑啉酮 (benzoxazolinones)<sup>[5]</sup>。根 Niemeyer 和 Hanhineva 的分类法, 可将苯并恶唑啉酮化合物分为如下四类 (见表 1)。

表 1 苯并恶唑啉酮的分类

\* 国家自然科学基金 (31570272) 和国家科技支撑计划 (2015BAD02B01-5)

\*\* 作者简介: 高洪江 (1993-), 女, 山西忻州人, 硕士, 研究方向为玉米功能基因组学, E-mail: 18535072699@163.com 通讯作者: 郎志宏, E-mail: langzhihong@caas.cn; 张春宇, E-mail: zglnsyauzhang@163.com

Table1 Classification of benzoxazinoid compounds

类别 BX class	所属化合物 Compounds belonging to the given class	结构式 structural formula
异羟肟酸	DIBOA-2,4-dihydroxy-1,4-benzoxazin-3-one	
	DIMBOA-2,4-dihydroxy-7-methoxy-1,4-benzoxazin-3-one	
	TRIBOA-2,4,7-trihydroxy-1,4-benzoxazin-3-one	
	DIM <sub>2</sub> BOA-7,8-dimethoxy-2,4-dihydroxy-1,4(2H)-benzoxazin-3-one	
内酰胺	HBOA-2-hydroxy-1,4-benzoxazin-3-one	
	HMBOA-2-hydroxy-7-methoxy-1,4-benzoxazin-3-one	
	HM <sub>2</sub> BOA-2-Hydroxy-6,7-dimethoxy-(2H)-1,4-benzoxazin-3(4H)-one	
	DHBOA-2,7-dihydroxy-1,4-benzoxazin-3-one	
苯并恶唑啉酮	BOA-2-benzoxazolin-2(3H)-one	
	MBOA-6-methoxy-benzoxazolin-2-one	
甲基衍生物	HDMBOA-2-hydroxy-4,7-dimethoxy-(2H)-1,4-benzoxazin-3(4H)-one	

在所有的苯并恶唑啉酮化合物中异羟肟酸是最活跃的一类<sup>[4]</sup>，该类化合物在 4 位碳原子上含有羟基。丁布（DIMBOA）和丁布的脱甲氧基衍生物 DIBOA 是两种重要的异羟肟酸。前者主要存在于小麦、玉米中，后者主要存在于黑麦和野生大麦中。目前，丁布是研究最为深入的一种 BXs。有研究表明，丁布对玉米螟、玉米蚜虫、蛀茎夜蛾、小麦赤霉病菌、玉米小班病菌等有防御作用。

2 BXs 的功能

BXs 是植物体内重要的次生代谢物，具有抗病、抗虫及化感等多种防御作用。一般情况下，BXs 在植物体内以葡萄糖苷形式存在。当植物受到侵害时分解成相应的苷元和糖，起到防御作用。BXs 与亲核试剂的反应是其生理效应的重要机制，它的亲电中心与氨基酸衍生物反应，进行蛋白修饰，可能是 BXs 具有抗虫和抗病等作用的机制之一<sup>[6]</sup>。下面从 BXs 的抗虫性、抗病性和化感作用三个方面来介绍 BXs 的功能。

2.1 BXs 的抗虫性

早在 1967 年，Klun 等人研究发现，把丁布从玉米幼苗体内分离出来加到人工配制的饲料中会抑制欧洲玉米螟幼虫的生长并造成一定的死亡率<sup>[7]</sup>。1985 年，Manuwoto 等人用丁布含量不同的 9 种玉米品系，对欧洲玉米螟幼虫的摄食率进行了实验。结果表明，在同样的光照条件下，摄食率最高的是不含丁布的突变体 DL 和丁布含量很低的自交系 WF9。摄食率最低的是具有很高丁布含量的英国自交系 B49 和热带品种 San Juan×Antigua<sup>[8]</sup>。2014 年，Betsiashvili 等人选取了 Mo17（抗）×B73（感）的重组自交系对玉米蚜虫具有抗性的数量性状位点（

Quantitative Trait Loci, QTL), 研究发现了位于玉米基因组第 4 号染色体上的一个 QTL, 该 QTL 包含了丁布合成的相关基因。之后进行遗传作图, 可以发现 Mo17 的等位基因相比于 B73 会增加丁布的积累, 而蚜虫在 B73 上的产卵量是 Mo17 的大约 20 倍。该实验进一步证实了丁布的抗虫性<sup>[9]</sup>。但是近些年来有研究表明, 丁布并不是对所有害虫都具有防御作用。2009 年, Sasai 等人研究发现, 用含有丁布的人工饲料喂养家蚕幼虫, 家蚕幼虫会在三天内死亡, 但是同样的饲料喂养粘虫幼虫, 粘虫幼虫并未受到影响<sup>[10]</sup>。除丁布外, 也有一些其他的 BXs 化合物对害虫有防御作用。Gianoli 等人研究表明, 在野生大麦幼苗中 DIBOA 的浓度和麦二叉蚜以及麦双尾蚜的生长活性呈负相关<sup>[11]</sup>。Tzin 等人在 2015 年研究发现, 咀嚼式害虫会诱导 DIMBOA-glc 在甲基转移酶的作用下变成 HDMBOA-glc, 对咀嚼式害虫产生抗性, 但是 DIMBOA-glc 含量的降低, 会利于蚜虫的生长<sup>[12]</sup>。

## 2.2 BXs 的抗病性

2004 年, 刘小红等人通过检测菌丝生长率和孢子萌发率, 研究了丁布对小麦赤霉病菌和玉米小斑病菌的抑制作用。结果发现当丁布含量达到 1.0mg/ml 时, 在丁布药液中培养 15h 的小麦赤霉病菌孢子萌发抑制率为 100%, 培养 5h 的玉米小斑病菌孢子萌发抑制率为 83.6%<sup>[13]</sup>。徐国锋等通过室内孢子萌发试验以及盆栽试验, 研究了丁布对小麦条锈病菌的活性影响。结果表明当浓度达到 1.0mg/ml 时丁布对其孢子萌发率具有抑制作用<sup>[14]</sup>。2011 年, Ahmads 等人用野生型植株和缺乏 Bx 的突变株进行对比发现, 缺乏 BXs 的植株更利于蚜虫生长, 并且更易被真菌感染<sup>[15]</sup>。2016 年, Guo 等人对 DIMBOA 及其衍生物 2-苯并恶唑啉酮 (BOA), 6-氯-2-苯并恶唑啉酮 (CDHB), 2-巯基苯并噻唑 (MBT) 进行了离体分析, 研究了这些化合物对青枯病菌的抗菌活性。结果表明, MBT 抗菌活性最强其次是 CDHB 和 DIMBOA。它们能有效地抑制细菌生长, 减少生物膜形成, 抑制细菌周期性集群活动<sup>[16]</sup>。

## 2.3 BXs 的化感作用

有研究表明, DIBOA、DIMBOA 和它们的分解产物 BOA 和 MBOA 是最有效的化感作用化合物<sup>[17]</sup>。其毒性是由于细胞壁过氧化物酶氧化过程中产生过氧化氢, 积累了木质素, 破坏脂类代谢和蛋白质合成并且造成了 H<sup>+</sup>ATP 酶的活性降低。黑麦是一种化感作用最为强烈的作物, 能降低许多杂草的萌发, 生长和发育, 抑制率高达 98%<sup>[17, 18]</sup>。

## 3 BXs 生物合成及遗传基础

BXs 在细胞中一般以糖苷形式储存在液泡中, 在植物受到伤害时, 糖苷在水解酶的作用下转化成相应的苷元和糖<sup>[4]</sup>。BXs 生物合成发生在植物整个生长过程中, Nomura 等人指出, BXs 在植物幼苗期合成最为活跃, 随后下降并逐渐稳定在一个较低的水平<sup>[19]</sup>。这与相关酶的转录水平有关<sup>[20]</sup>。许多研究表明 BXs 的合成受多种因素影响。1985 年, Manuwoto 等人表明, 化学肥料的使用影响 BXs 的生物合成<sup>[21]</sup>; 1986 年, Epstein 等人发现光周期可以对 BXs 合成产生影响<sup>[22]</sup>; 2009 年, Niemeyer 等人指出, BXs 的生物合成与植物的基因型和品种有关<sup>[4]</sup>。

### 3.1 BXs 生物合成通路

BXs 生物合成途径在玉米中研究得最为详尽 (图 1)。BXs 合成的第一步是将吡啶-3-磷酸甘油转化为吡啶。此步反应发生在叶绿体中, 由一个色氨酸合酶的同源物 BX1, 催化吡啶的形成, 由此产生了初级代谢和次级代谢的分支点。之后的四个反应发生在内质网, 分别由 BX2、BX3、BX4、BX5 所催化。BX2~BX5

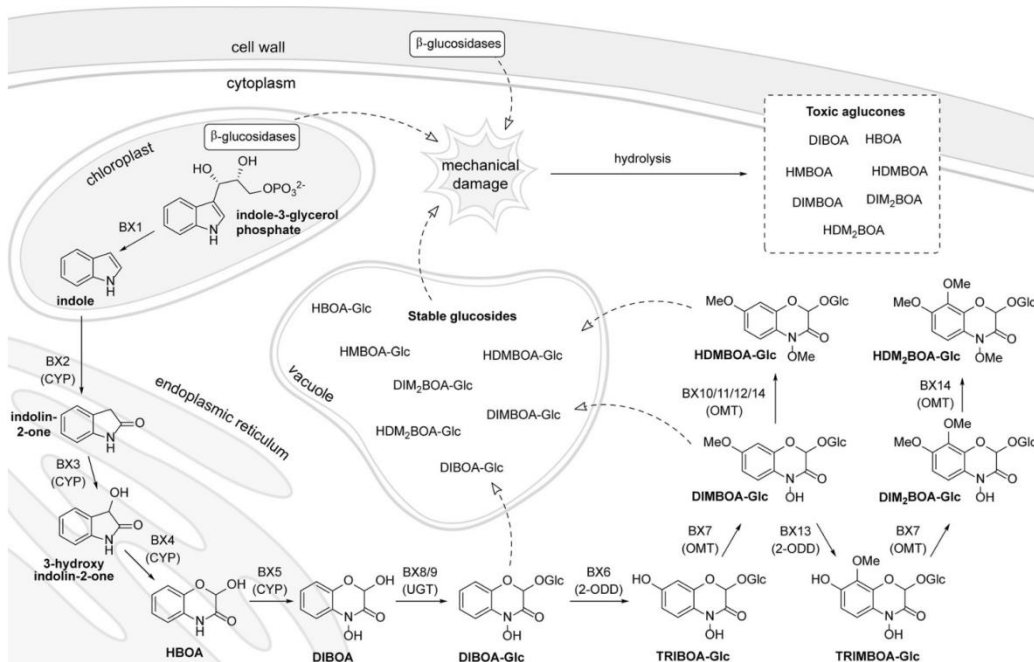


Fig1 BXs biosynthesis and compartmentalization in plant cell [30]



#### 4 展望

BXs 类化合物, 尤其是丁布, 在植物抗虫领域具有很大的研究价值。如何将丁布与抗虫相关 QTL 联系起来, 找出植物体内和抗虫相关的基因应用于培育优良种质, 还需要继续研究。目前, 虽然有研究证实了 BXs 对植物抗病有关, 但是 BXs 含量与植物抗病之间的相关性并不总是阳性, 取决于它们的合成位点与病原体的特征。尽管 BXs 的生物合成已经阐明, 但是在植物个体发育和不同组织中控制差异表达的基因和机制还有待研究。此外, 在除玉米以外的其他禾本科作物, 如小麦、黑麦等, 将 DIBOA-glc 转化为 DIMBOA-glc 的酶以及编码该酶的基因还未发现。未来需要多学科的融合以进一步了解 BXs 的生物效应及其代谢, 进而将 BXs 更好地应用于害虫防治, 培育新的抗性品种。

#### 参考文献:

1. Makowska B, Bakera B, Rakoczy-Trojanowska M. The genetic background of benzoxazinoid biosynthesis in cereals. *Acta Physiologiae Plantarum*, 2015, 37(9):1-12.
2. Virtanen A I, Hietala P K, Lundén R, et al. 2(3)-Benzoxazolinone, an Anti-Fusarium Factor in Rye Seedlings. *Acta Chemica Scandinavica*, 1955, 9:1543-1544.
3. Wahlroos Ö, Virtanen A I, Hammarsten E, et al. Precursors of 6-Methoxybenzoxazolinone in Maize and Wheat Plants, their Isolation and Some of their Properties. *Acta Chemica Scandinavica*, 1959, 13(9): 1906-1908.
4. Niemeyer H M. Hydroxamic acids derived from 2-hydroxy-2H-1,4-benzoxazin-3(4H)-one: key defense chemicals of cereals. *Journal of Agricultural & Food Chemistry*, 2009, 57(5): 1677.
5. Hanhineva K, Rogachev I, Aura A M, et al. Qualitative characterization of benzoxazinoid derivatives in whole grain rye and wheat by LC-MS metabolite profiling. *Journal of Agricultural & Food Chemistry*, 2011, 59(3):921-927.
6. Shudo K, Ishizaki T, Hashimoto Y, et al. *Reaction of 4-Acetoxy-1,4-benzoxazin-3-one with Amino Acid Derivatives*. *Heterocycles*, 1983, 20(8):1481-1485.
7. Klun J A, Tipton C L, Brindley T A. 2,4-Dihydroxy-7-methoxy-1,4-benzoxazin-3-one (DIMBOA), an Active Agent in the Resistance of Maize to the European Corn Borer<sup>1</sup>, 2,3. *Journal of Economic Entomology*, 1967, 60(6): 1529-1533.
8. Manuwoto S, Scriber J M. Neonate larval survival of European corn borers, *Ostrinia nubilalis*, on high and low dimboa genotypes of maize: Effects of light intensity and degree of insect inbreeding. *Agriculture Ecosystems & Environment*, 1985, 14(3-4): 221-236.
9. Betsiashvili M, Ahern K R, Jander G. Additive effects of two quantitative trait loci that confer *Rhopalosiphum maidis* (corn leaf aphid) resistance in maize inbred line Mo17. *Journal of Experimental Botany*, 2014, 66(2): 571-578.
10. Sasai H, Ishida M, Murakami K, et al. Species-specific glucosylation of DIMBOA in larvae of the rice Armyworm. *Bioscience Biotechnology & Biochemistry*, 2009, 73(6): 1333.
11. Gianoli E, Niemeyer H M. DIBOA in wild Poaceae: sources of resistance to the Russian wheat aphid (*Diuraphis noxia*) and the greenbug (*Schizaphis graminum*). *Euphytica*, 1998, 102(3): 317-321.
12. Tzin V, Lindsay P L, Christensen S A, et al. Genetic mapping shows intraspecific variation and transgressive segregation for caterpillar-induced aphid resistance in maize. *Molecular Ecology*, 2015, 24(22): In Press.
13. 刘小红, 李健强, 周立刚, et al. 丁布对小麦赤霉病菌和玉米小斑病菌的抑制作用. *菌物学报*, 2004, 23(1): 109-114.  
Liu X H, Li J Q, Zhou L G, et al. Inhibition effect of DIMBOA on *Fusarium graminearum* and *Bipolaris maydis*. *Mycosystema*, 2004, 23(1):109-114.
14. 徐国锋, 郑永权, 纪明山. 丁布对小麦条锈病菌的抑制作用. *中国农学通报*, 2006, 22(6): 324-326.  
Xu G F, Zheng Y Q, Ji M S. Activity Test on DIMBOA against *Puccinia striiformis* f.sp.tritic. *Chinese Agricultural Science Bulletin*, 2006, 22(6):324-326.
15. Ahmad S, Veyrat N, Gordonweeks R, et al. Benzoxazinoid Metabolites Regulate Innate Immunity against Aphids and Fungi in Maize. *Plant Physiology*, 2011, 157(1): 317-27.

16. Guo B, Zhang Y, Li S, et al. Extract from Maize (*Zea mays* L.): Antibacterial Activity of DIMBOA and Its Derivatives against *Ralstonia solanacearum*. *Molecules*, 2016, 21(10):1397.
17. Tabaglio V, Gavazzi C, Schulz M, et al. Alternative weed control using the allelopathic effect of natural benzoxazinoids from rye mulch. *Agronomy for Sustainable Development*, 2008, 28(3): 397-401.
18. Barnes J P, Putnam A R. Role of benzoxazinones in allelopathy by rye (*Secale cereale* L.). *Journal of Chemical Ecology*, 1987, 13(4): 889-906.
19. Nomura T, Ishihara A, Yanagita R C, et al. Three genomes differentially contribute to the biosynthesis of benzoxazinones in hexaploid wheat. *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, 2005, 102(45): 16490-16495.
20. Rad U V, Hüttel R, Lottspeich F, et al. Two glucosyltransferases are involved in detoxification of benzoxazinoids in maize. *Plant Journal*, 2001, 28(6): 633-642.
21. Manuwoto S, Scriber J M. Consumption and utilization of experimentally altered corn by southern armyworm: Iron, nitrogen, and cyclic hydroxamates. *Journal of Chemical Ecology*, 1985, 11(11): 1469-1483.
22. Epstein W W, Rowsemitt C N, Berger P J, et al. Dynamics of 6-methoxybenzoxazolinone in winter wheat : Effects of photoperiod and temperature. *Journal of Chemical Ecology*, 1986, 12(10): 2011-2020.
23. Frey M, Gierl A. Analysis of a Chemical Plant Defense Mechanism in Grasses. *Science*, 1997, 277(5326): 696-699.
24. Von R U, Hüttel R, Lottspeich F, et al. Two glucosyltransferases are involved in detoxification of benzoxazinoids in maize. *Plant Journal*, 2001, 28(6): 633-642.
25. Jonczyk R, Schmidt H, Osterrieder A, et al. Elucidation of the final reactions of DIMBOA-glucoside biosynthesis in maize: characterization of Bx6 and Bx7. *Plant Physiology*, 2008, 146(3): 1053-1063.
26. Sicker D, Frey M, Schulz M, et al. Role of natural benzoxazinones in the survival strategy of plants. *International Review of Cytology*, 2000, 198(4): 319.
27. Meihls L N, Handrick V, Glauser G, et al. Natural variation in maize aphid resistance is associated with 2,4-dihydroxy-7-methoxy-1,4-benzoxazin-3-one glucoside methyltransferase activity. *Plant Cell*, 2013, 25(6): 2341-2355.
28. Handrick V, Robert C A, Ahern K R, et al. Biosynthesis of 8-O-methylated benzoxazinoid defense compounds in maize. *Plant Cell*, 2016, 28(7): 1682-1700.
29. Sue M, Nakamura C, Nomura T. Dispersed Benzoxazinone Gene Cluster: Molecular Characterization and Chromosomal Localization of Glucosyltransferase and Glucosidase Genes in Wheat and Rye. *Plant Physiology*, 2011, 157(3): 985-997.
30. Wouters F C, Blanchette B, Gershenzon J, et al. Plant defense and herbivore counter-defense: benzoxazinoids and insect herbivores. *Phytochemistry Reviews*, 2016, 15(6): 1127-1151..>>  
>B&